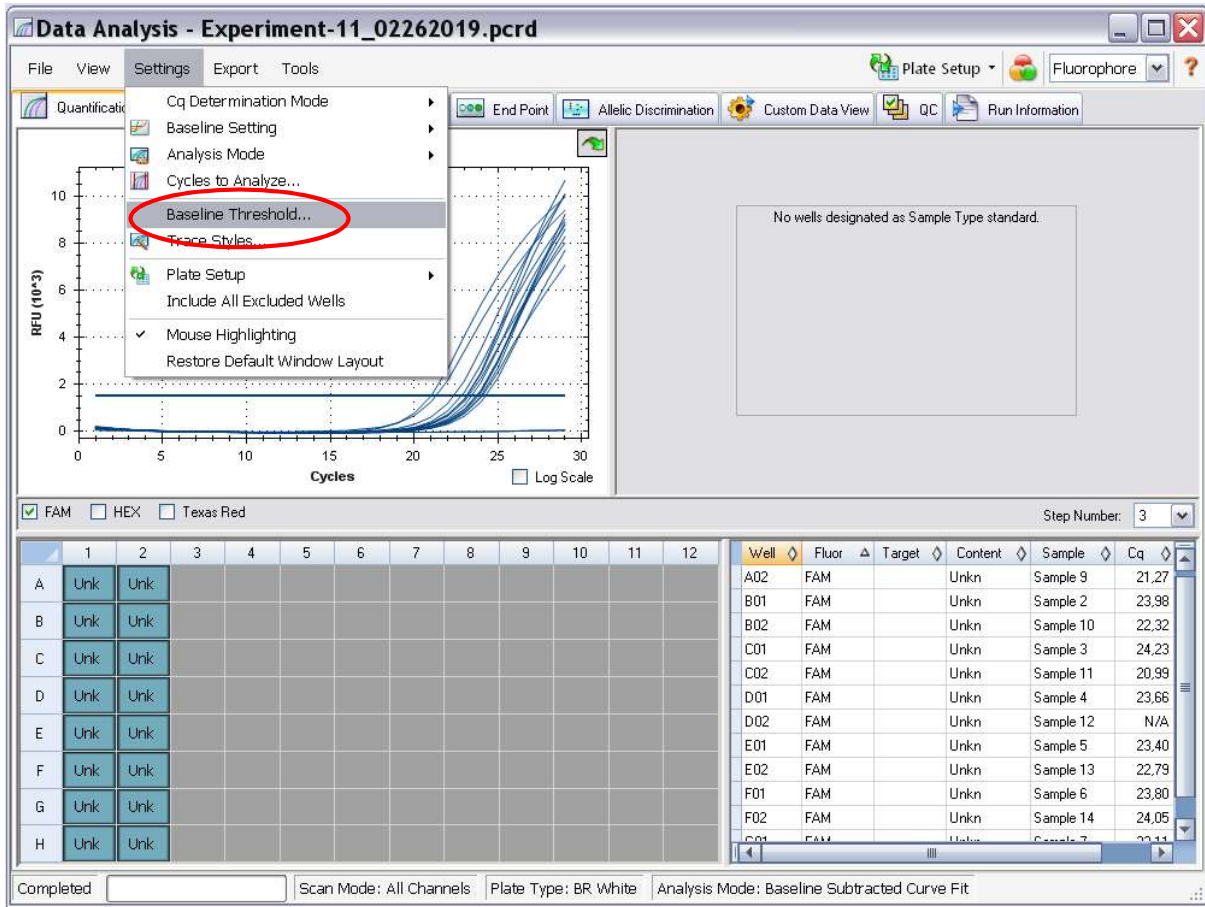


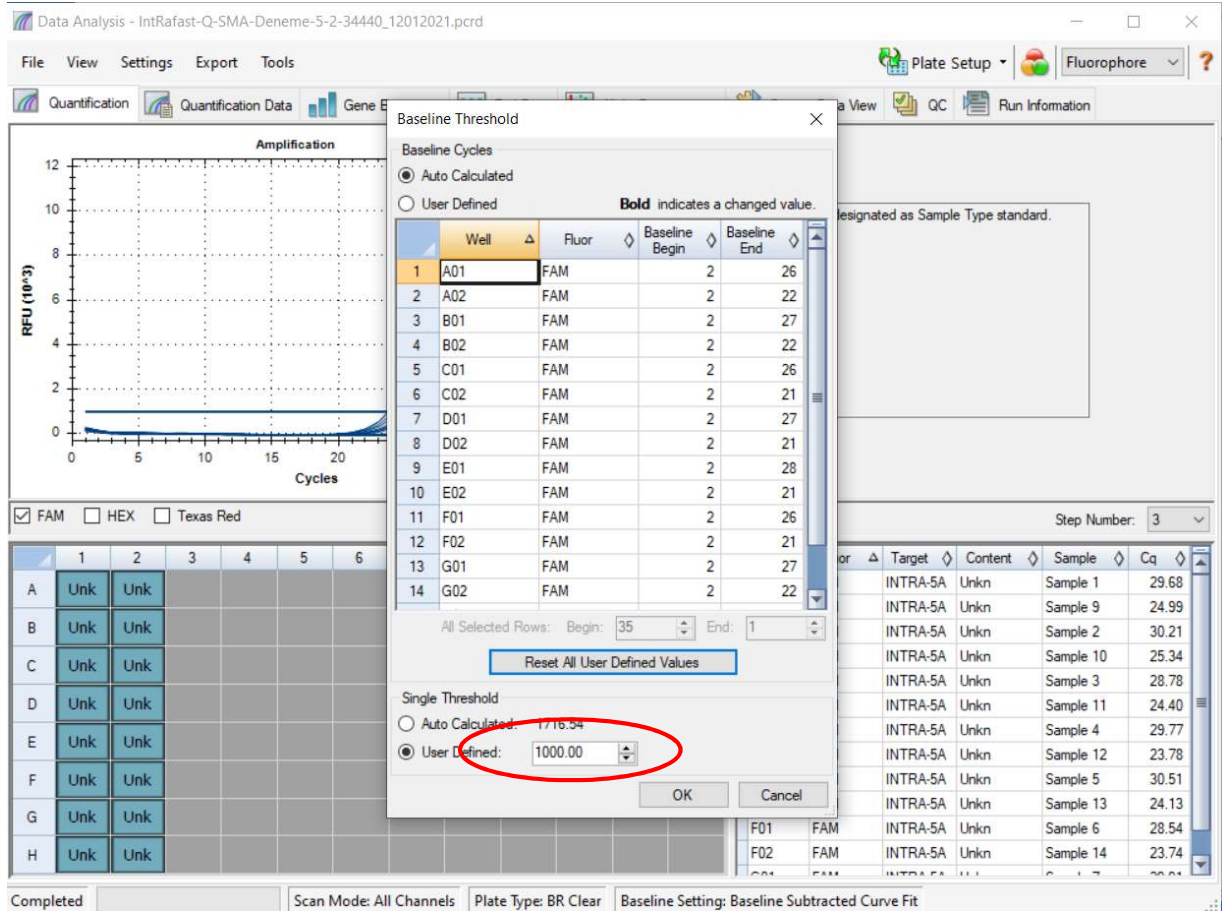
IntRa-Q Yazılımı Kullanım Kılavuzu

IntRa-Q Yazılımı, sonuçların kolay biçimde analiz edilmesine yardım etmektedir.

Adım 1: Çalışma tamamlandıktan sonra, lütfen her boya için "Baseline Threshold" değerini 1000 olarak ayarlayın (Şekil 1-2).



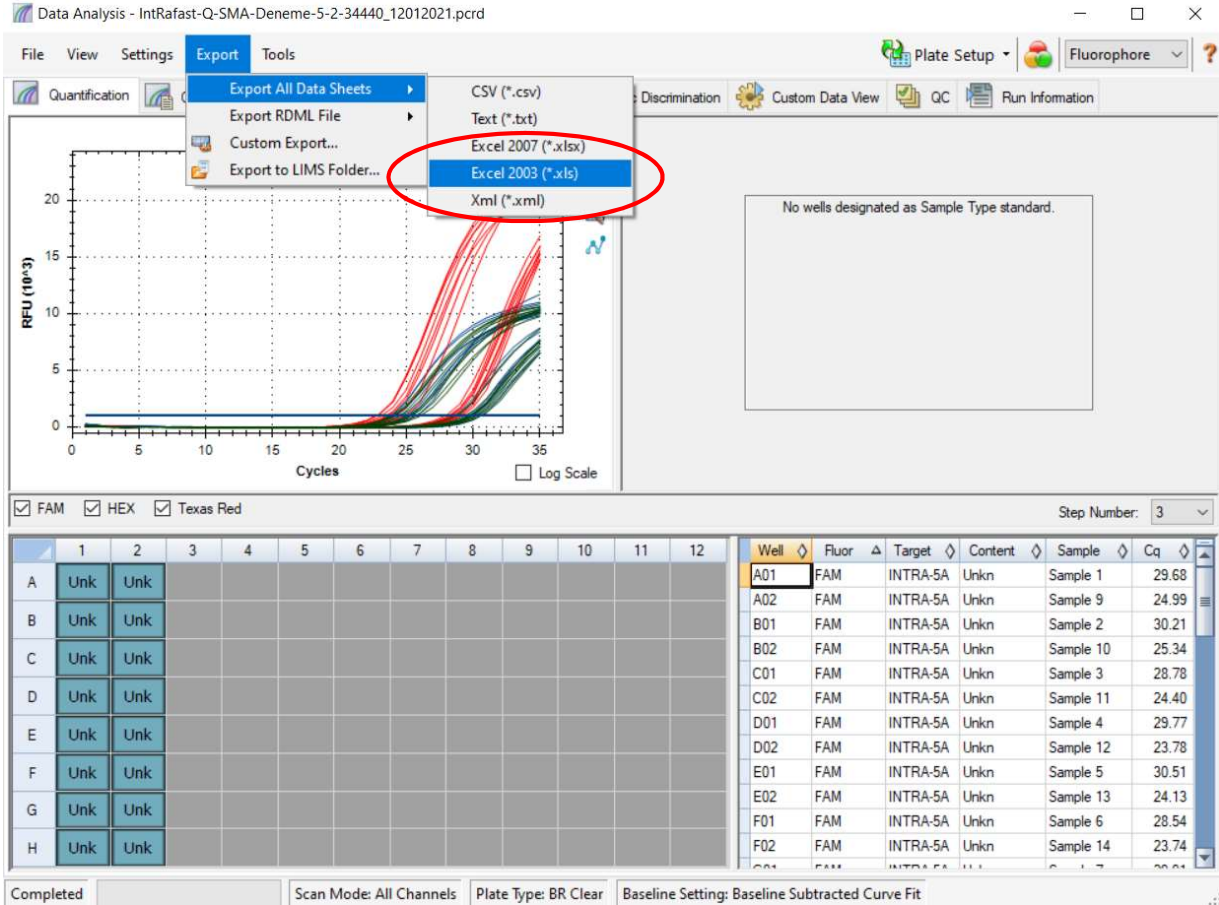
Şekil- 1



Şekil- 2

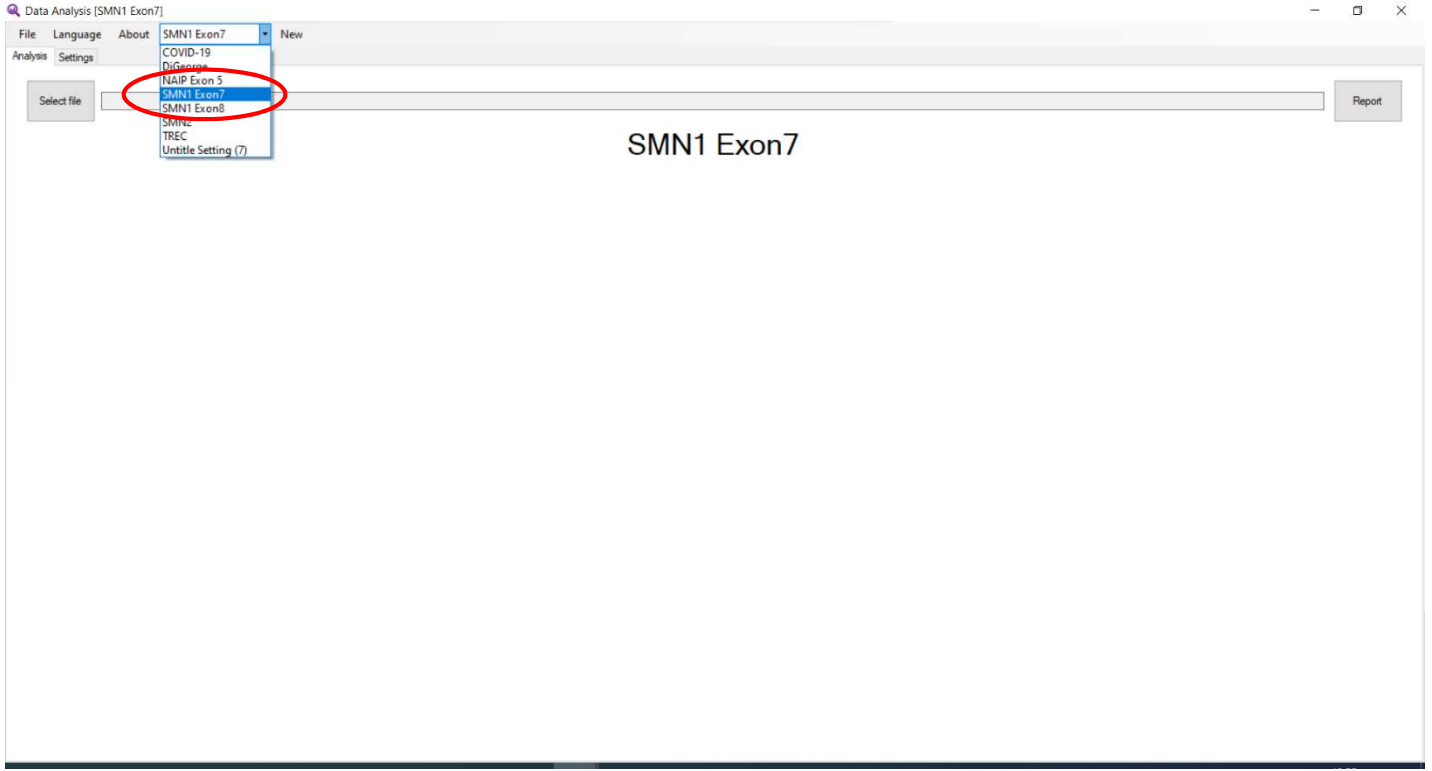
Adım2: Belirtilen adımları takip ederek, çalışma dosyasını Excel 2003 formatına çeviriniz.

Export>ExportAll Data Sheets> Excel 2003 (*.xls) (Şekil – 3).



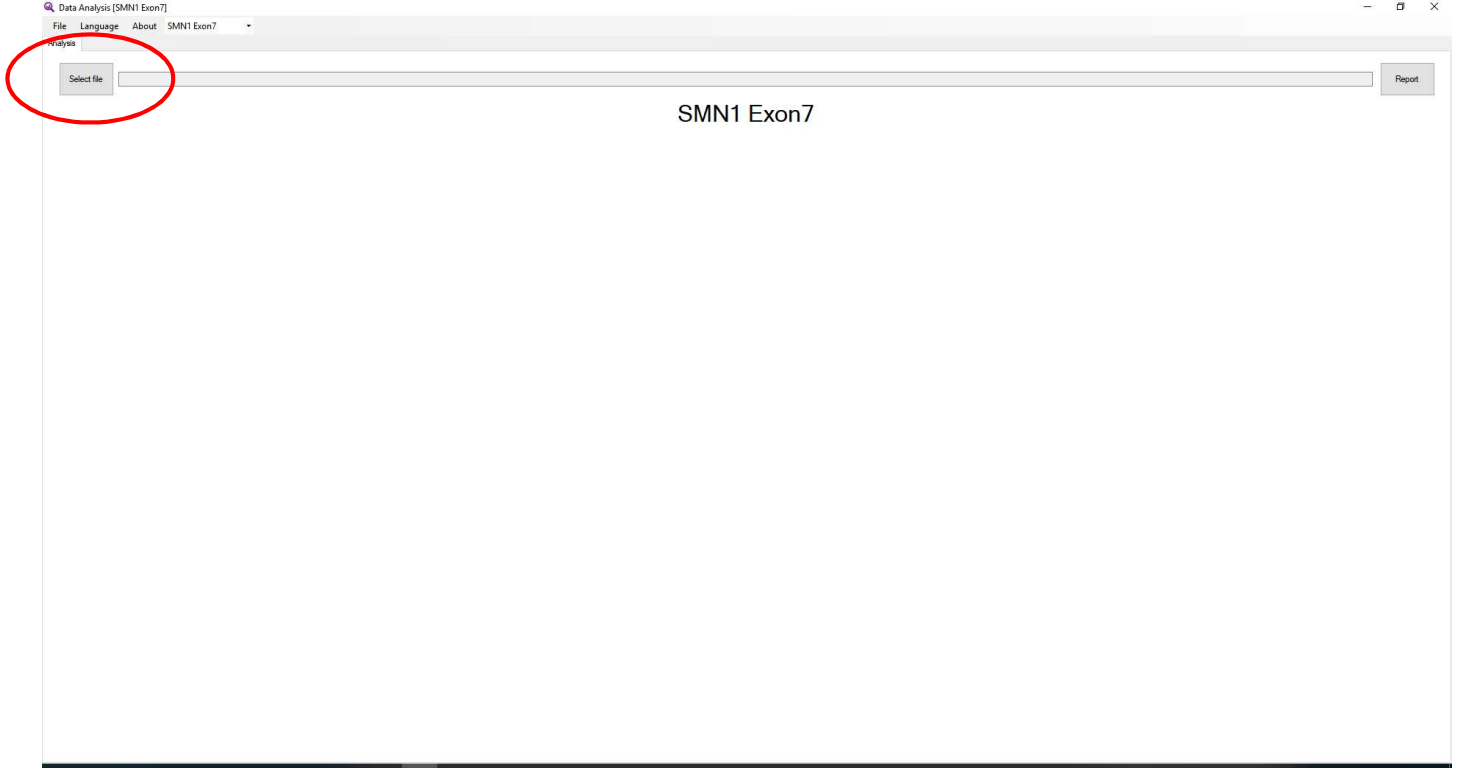
Şekil - 3

Adım3: IntRa-Q Yazılım ikonunu tıklayarak yazılımı açınız. Analiz etmek istediğiniz parametreyi seçiniz. Örnek olarak, SMN1 Ekzon 7 (Şekil - 4).

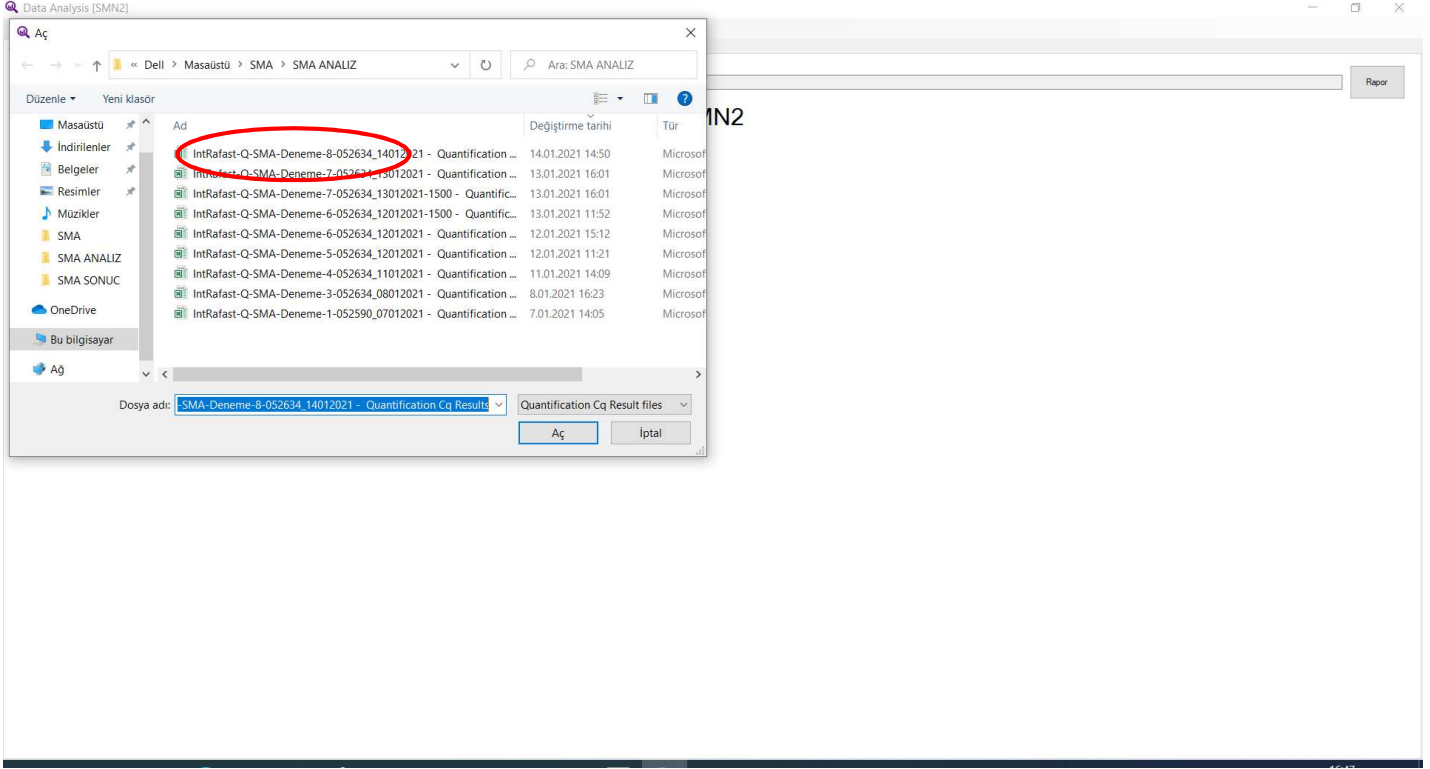


Şekil- 4

Adım4: Excel dosyasını kaydedildiği yerden seçerek açınız (Cq Results dosyaları) (Şekil 5 - 6).



Şekil - 5



Şekil - 6

Adım5: Sonuçlar ekranda otomatik olarak görülecektir. Farklı renkler ile sonuçlar kategorize edilmiştir.

Gri : Wild-Tip, **Kırmızı** : Taşıyıcı, **Siyah**: Homozigot delesyon, **Sarı**: DNA yok, **Mavi**: Tekrar.
Sonuçları **"Report"** kısmına tıklayarak pdf dosyası şeklinde kaydedebilirsiniz (Şekil - 7).

Data Analysis [SMN1 Exon7]

File Language About SMN1 Exon7 New

Analysis Settings

Select file C:\Users\Def1\Desktop\SMA\SMA ANALIZ\IntRafast-Q-SMA-Deneme-5-2-34440_12012021 - Quantification Cq Results.xls

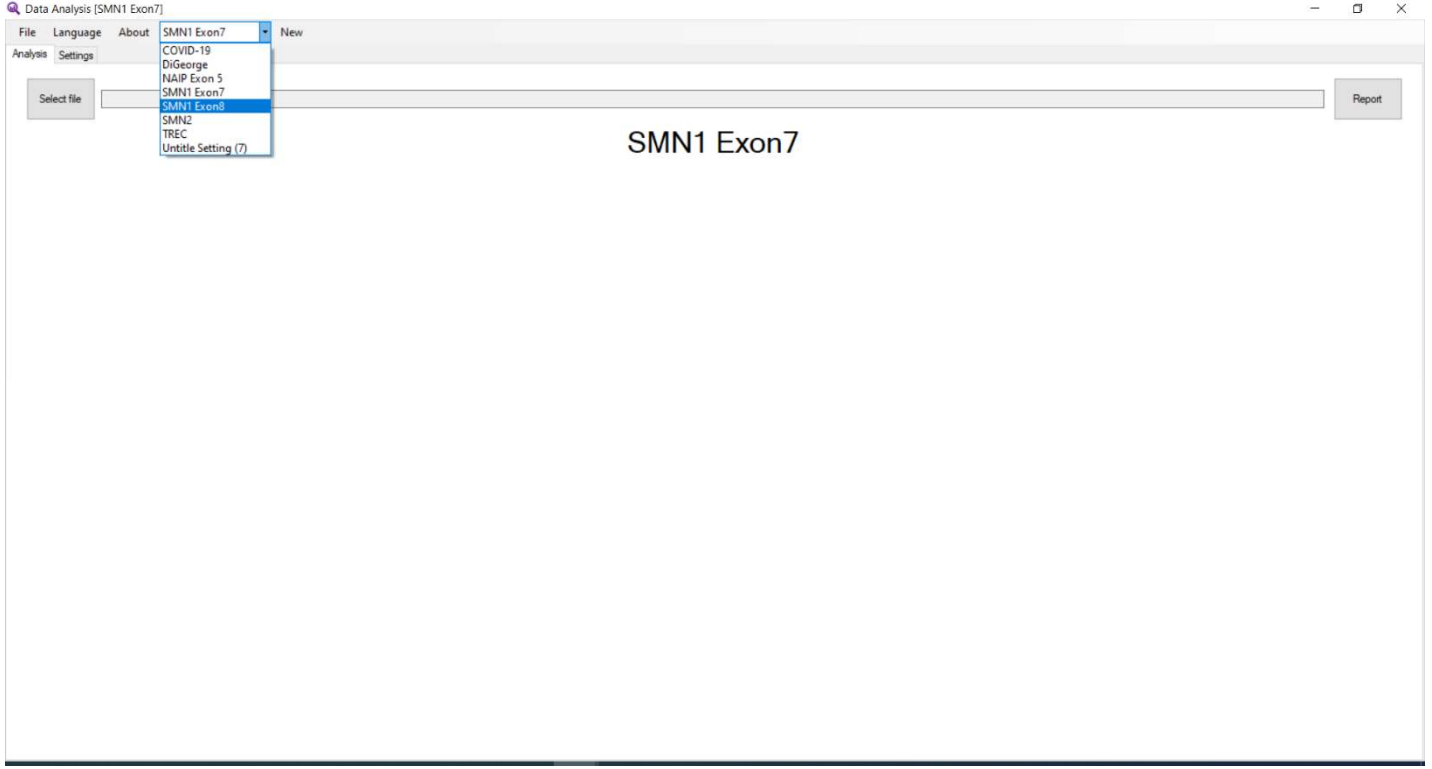
Report

SMN1 Exon7

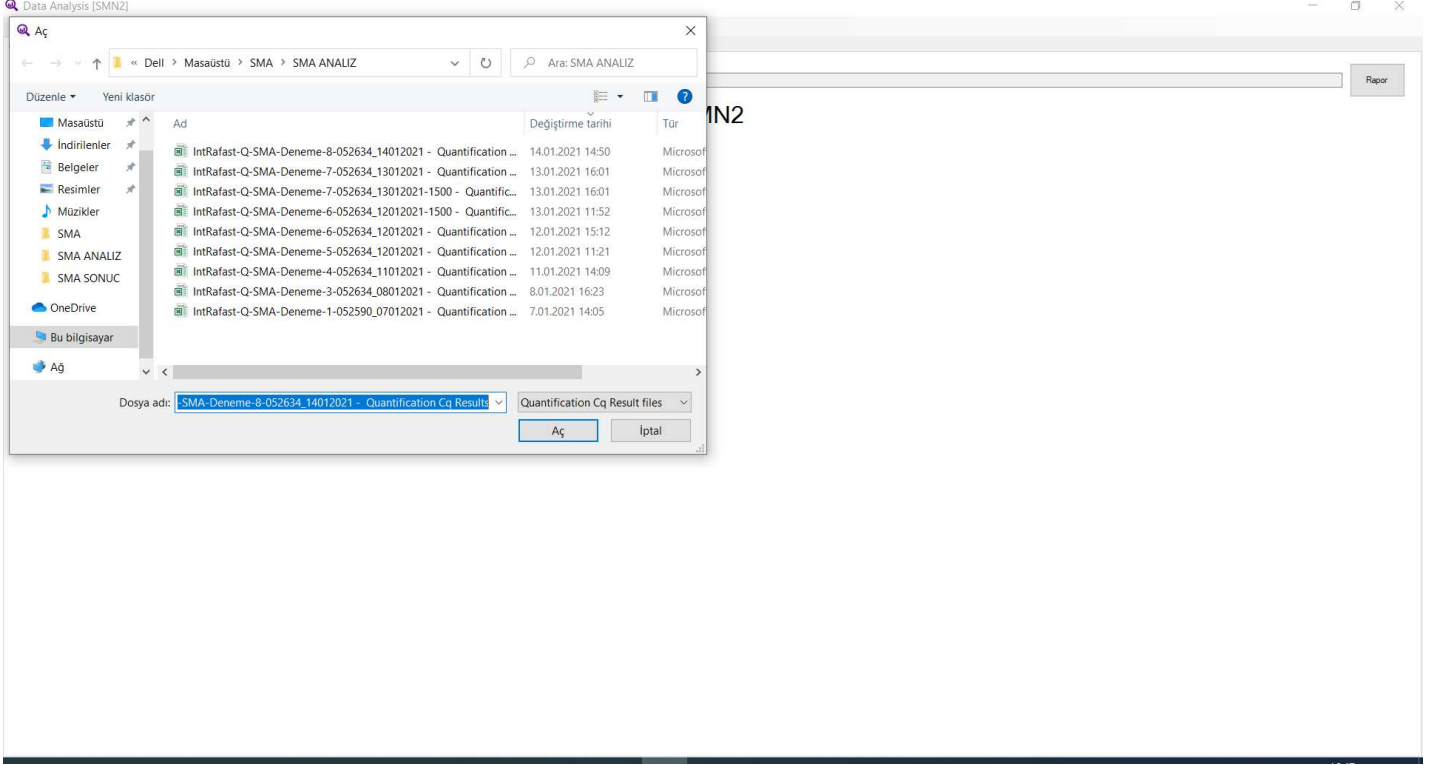
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	Sample 1 Carrier 5.94	Sample 9 Carrier 6.34										
B	Sample 2 Carrier 7.29	Sample 10 Carrier 5.79										
C	Sample 3 Wild-Type 1.54	Sample 11 Wild-Type 2.61										
D	Sample 4 Wild-Type 2.94	Sample 12 Wild-Type 2.85										
E	Sample 5 Wild-Type 3.98	Sample 13 Wild-Type 3.97										
F	Sample 6 Wild-Type 1.46	Sample 14 Wild-Type 2.80										
G	Sample 7 Wild-Type 2.51	Sample 15 Wild-Type 2.73										
H	Sample 8 Wild-Type 2.33	Sample 16 Wild-Type 2.33										

Şekil - 7

Adım6:Analiz etmek istediğiniz diğer parametreyi seçiniz. Örnek olarak Ekzon 8.Adım 4'ten itibaren tekrar ediniz (Şekil 8 - 9 - 10).



Şekil- 8



Şekil - 9

Data Analysis [SMN1 Exon8]

File Language About SMN1 Exon8 New

Analysis Settings

Select file C:\Users\Def1\Desktop\SMA\SMANALIZ\IntRafast-Q-SMA-Deneme-5-2-34440_12012021 - Quantification Cq Results.xls Report

SMN1 Exon8

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	Sample 1 Cancer 6.84	Sample 9 Cancer 7.03										
B	Sample 2 Cancer 7.64	Sample 10 Cancer 8.08										
C	Sample 3 Wild-Type 2.73	Sample 11 Wild-Type 3.06										
D	Sample 4 Wild-Type 2.92	Sample 12 Wild-Type 3.60										
E	Sample 5 Wild-Type 4.05	Sample 13 Wild-Type 3.82										
F	Sample 6 Wild-Type 1.49	Sample 14 Wild-Type 3.20										
G	Sample 7 Wild-Type 2.86	Sample 15 Wild-Type 2.97										
H	Sample 8 Wild-Type 2.79	Sample 16 Wild-Type 3.36										

Şekil - 10